

2019 年度 第 2 回 国立大学法人中国地方バイオネットワーク連絡会議および
次世代シーケンス解析 (NGS) 研究会セミナー (2019 年 10 月 10 日 山口大
学医学部キャンパス) 報告

標記連絡会議 (午前) とセミナー (午後) に参加しましたので報告をします。

<2019 年度 第 2 回 国立大学法人中国地方バイオネットワーク連絡会議>

- ・ 各種情報交換が行われました。
- ・ 中国地方バイオネットワーク website 掲載の受託解析料金表をわかりやすい形式に刷新することになりました。一部受託内容の変更も行うことになりました。近々 website が更新される予定です。

(http://gene.yamaguchi-u.ac.jp/Chugoku_BNW_HP/index3.html)

<次世代シーケンス解析 (NGS) 研究会セミナー>

山口大学では次世代シーケンス関連の様々な受託解析を行っています。中国地方国立大学の方々には学内料金でご利用いただけます。受託内容等、詳細は上記の中国地方バイオネットワーク website をご覧ください。

次世代シーケンサーでの transcriptome 解析の原理と解析方法について
プログラム

1. 中国地方バイオネットワーク受託解析のご紹介
中国地方国立大学遺伝子実験施設長
2. RNA-Seq を始める方へ ~RNA-Seq, miRNA やエピゲノム解析など応用例のご紹介~
(株) イルミナ 沖 健太
3. ターゲット RNA シーケンスで遺伝子発現解析をもっと身近に Ion AmpliSeq のシンプルかつ迅速なワークフローのご紹介
サーモフィッシャーサイエンティフィック ライフテクノロジーズジャパン (株) 寺田茉衣子
4. RNA-seq の為の RNA 調製およびライブラリー調製 RNA-seq における 2 次・3 次解析ソフトのご紹介 (CLC Genomics Workbench, OmicSoft)
(株) キアゲン 木崎・宮崎

5. RNA-seq データを用いたパスウェイ解析 IPA の活用例
(株) トミーデジタルバイオロジー 岡留 幹
6. 山口大学での解析事例のご紹介 RNA-seq や SAGE 解析、融合遺伝子の検出や TRIO 解析、3次元培養からの解析など特殊事例
山口大学研究推進機構 水上 洋一
7. 山口大学遺伝子実験施設 次世代シーケンス解析関連機器の見学（希望者のみ）

「中国地方バイオネットワーク受託解析のご紹介」では鳥取大学、島根大学、岡山大学、広島大学、山口大学の受託解析の内容紹介が行われました。同内容は、近々中国地方バイオネットワーク website () に掲載される予定です。

2～6 では解析の原理、各手法の特徴、データの評価法、各社のアプリケーションが紹介されました。配付資料が遺伝子機能解析部門事務室に保管されています。ご覧になりたい方は事務室までお知らせください。

(中川記)